

Identification du patient (étiquette Gustave Roussy) Nom : Prénom : Né(e) le :	Service demandeur Service/Comité : Médecin : Tél. :	Identification du préleveur Nom : Prénom : Qualité :
---	---	--

Date et heure du prélèvement :

Prélèvements associés : ♦ Pièce opératoire ♦ Biopsie

Renseignements cliniques et traitement en cours :	Diagnostic :
---	--------------

SERVICE D'HÉMATOLOGIE BIOLOGIQUE - TÉL. 40 72

NATURE DU PRÉLÈVEMENT

- | | |
|---|---|
| ♦ MOËLLE : préciser MO sur le tube | ♦ SANG : préciser SG sur le tube |
| Os Ponctionné : ST CIPG CIPD CIAG CIAD | |
| Dureté : Normal ☐ Mou ☐ Dur ☐ Friable ☐ | |
| ♦ Cytoponction : | Ganglion/siège : Autre masse : |
| ♦ Liquide : ♦ LCR ♦ Ascite ♦ Pleural ♦ Autre : | |

EXAMENS DEMANDÉS

- ♦ Lecture cytologique

- ♦ Immunophénotypage
♦ Biologie moléculaire : **prescrire ci-dessous**

- ♦ Cellulothèque (CRB)
adresser le consentement éclairé du patient

**10 ml de sang Tube EDTA
et/ou 2 CC Moëlle Tube EDTA**

SERVICE DE PATHOLOGIE MOLÉCULAIRE

HÉMATOLOGIE MOLÉCULAIRE - Tél. 50 95

- ♦ Diagnostic : bilan standard (verso) ou entourez (infra)
♦ Rechute : bilan standard (verso) ou entourez (infra)
♦ Maladie résiduelle : précisez ou entourez le marqueur
 o Transcrit-ARN (hors EVI-1):
 o Mutation-ADN :
 o NGS-ADN: après accord du biologiste

LABO CYTOGÉNÉTIQUE - Tél. 54 18

- ♦ Caryotype / FISH :
♦ Mutations BRAF (Myélomes)

**Moëlle : tube à caryotype fourni par le labo ou
sang : héparinate de lithium (Tube Vert)**

- ♦ Chimérisme FISH Y : (sex Mis Match uniquement)
10 ml de sang sur Héparinate de lithium

ANALYSE(S) MOLÉCULAIRE(S) DEMANDÉE(S) :

- **ADN (Tube EDTA, Sang 10 ml, Moëlle 1-2 ml)**

- o Chimérisme post-allogreffe
o Panel NGS myéloïde (liste au verso)
o Mutations de gènes

JAK2 CALR MPL NPM1 FLT3 CEBPA IDH1 IDH2
exon 12
o Autres mutations : panel NGS au verso
o Clonalité IgH/TCR (envoi extérieur)

- **ARN (Tube PAXgene, Sang 2.5 ml, Moëlle 1-2 ml)**

- o Surexpression : WT1 EVI-1
o Transcrits de fusion :

p190-BCR/ABL FIP1L1/PDGFRα DEK/NUP214
CBFB/MYH11 RUNX1/RUNX1T1 PML/RARA

- o Autre transcrit après accord du biologiste :

Bilan LAM standard (diagnostic) (LAM, AREB-1, AREB-2)	Mutations: NPM1, FLT3, CEBPA, AINDEL, Panel NGS myéloïde Surexpression et transcrits de fusions: WT1, EVI-1, CBFB/MYH11, RUNX1/RUNX1T1
Bilan SMD sans excès de blastes	Panel NGS myéloïde
Bilan LMMC-1, LMMC-2 standard	Panel NGS myéloïde, JAK2 V617F, surexpression WT1
Bilan cytopénie idiopathique (ICUS)	Panel NGS myéloïde
Dysplasie idiopathique (IDUS)	Panel NGS myéloïde
Recherche d'hématopoïèse clonale (CHIP)	Panel NGS myéloïde (sensibilité 1 à 3%), panel hot spot (sensibilité 0,1%)
Bilan prédisposition LAM (selon OMS 2016)	Panel NGS myéloïde
Bilan LAL-B LAL-T standard (diagnostic et suivi)	BCR/ABL local + envoi extérieur
Étude du chimérisme (STR)	Analyse de fragments (Informativité : 1% à 99% donneur/receveur)
Étude du Chimérisme de patients non informatifs avec donneur de sexe identique	Panel NGS myéloïde (Informativité 1% à 99% donneur/receveur)
ÉTUDE DE LA MALADIE RÉSIDUELLE – MARQUEURS INFORMATIFS ET LEUR SENSIBILITÉ THÉORIQUE	
4 à 5 log réduction (0,001% à 0,01%)	Transcrits de fusion, NPM1, JAK2, IgH/TCR clono-spécifiques
2 à 3 log réduction (0,1% à 1%)	Surexpression WT1, NGS (panel hot-spot)
2 log réduction (1%)	CALR

PANEL NGS MYÉLOÏDE Évolutions possibles - se référer au compte rendu Jan-17 : 45 gènes * avr-17 : 55 gènes	ABL1*, ANKRD26*, ASXL1, ASXL2, ATM, BCOR, BCORL1*, BRAF*, CALR, CBL, CEBPA, CHEK2*, CSF3R, CUX1*, DDX41, DNMT3A, ETV6, ETV6, ETV6, ETV6, FLT3, GATA2, HRAS, IDH1, IDH2, IKZF1, JAK2, KDM6A*, KIT, KRAS, MECOM*, MPL, NF1, NFE2*, NIPBL*, NPM1, NRAS, PHF6, PPM1D*, PTPN11, RAD21, RIT1*, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRP72*, SRSF2, STAG2, TERC*, TERT*, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2, ATG2B LOH
--	---

PANEL NGS hot-spot haute sensibilité sur décision RCP préalable : MRD, pré-alloG, CHIP, autres cas	ASXL1, BCOR, CALR, CBL, CHEK2, CEBPA, DNMT3A, GATA2, IDH1, IDH2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NF1, NPM1, NRAS, PHF6, PPM1D, PTPN11, RUNX1, SETBP1, STAG2, SF3B1, SRSF2, TET2, TP53, U2AF1, WT1
--	---